

Covid-19 : premiers résultats de la piste génétique pour expliquer les formes graves non liées à l'âge ou aux comorbidités

Par *mogirard*

Créé le 28/04/2020 - 07:53

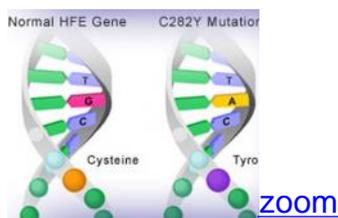
Covid-19 : premiers résultats de la piste génétique pour expliquer les formes graves non liées à l'âge ou aux comorbidités

Mardi, 28/04/2020 - 06:53 [0 commentaire](#)

- [Diminuer la police](#)
- [Augmenter la police](#)
- [Imprimer](#)
- [Version PDF](#)

-
- [Tweeter](#)
-
-

4 avis :



Afin d'expliquer la variabilité des réponses individuelles face au SARS-CoV-2, la piste génétique est actuellement explorée. La génétique pourrait en effet expliquer pourquoi des patients jeunes et en bonne santé développent des formes graves du Covid-19.

L'étude s'est penchée sur certains gènes du système immunitaire, les antigènes des leucocytes humains (HLA pour human leukocyte antigen), qui sont impliqués dans la reconnaissance des agents pathogènes. « **Comprendre comment la variation des HLA peut affecter le cours de l'infection par le Covid-19 pourrait aider à identifier les individus à risque plus élevé de la maladie** », indiquent les auteurs.

Dans une analyse *in silico*, les chercheurs ont constaté que, parmi les 145 génotypes de HLA étudiés, certains allèles, les HLA-B46 : 01, avaient moins de peptides de liaison prédits pour le SARS-CoV-2. Ces

allèles pourraient ainsi être associés à une forme sévère de Covid-19. Une étude de 2003 avait abouti à un résultat similaire dans le SARS-CoV.

L'analyse a également permis de constater que d'autres allèles, les HLA-B *15:03, étaient en capacité de présenter des peptides SARS-CoV-2 hautement conservés, « **qui sont partagés entre les coronavirus humains courants** », soulignent les auteurs. Ce constat suggère que ces allèles pourraient permettre une immunité croisée basée sur les cellules T.

Selon les chercheurs, le typage HLA, « **rapide et peu coûteux** », pourrait être réalisé en même temps que les tests de dépistage en vue d'« **améliorer l'évaluation de la gravité virale** ». De même, quand un vaccin sera disponible, ce typage pourrait aussi être utilisé pour déterminer les individus prioritaires.

Article rédigé par Georges Simmonds pour RT Flash

[JOV](#)

Noter cet article :

Recommander cet article :

-
- [Tweeter](#)
-

- **Nombre de consultations :** 0
- **Publié dans :** [Biologie & Biochimie](#)
- **Partager :**
 - [Facebook](#)
 - [Viadeo](#)
 - [Twitter](#)
 - [Wikio](#)

[Biologie & Biochimie allèles covid gènes HLA-B46 peptides virus](#)

URL source: <https://www.rtflash.fr/covid-19-premiers-resultats-piste-genetique-pour-expliquer-formes-graves-non-liees-l-age-ou-comorbidites/article>